

## LETTER TO THE EDITOR

### Sporothrix Schenckii Infection

Xiao-Li Huang<sup>1</sup> and Guo-Ming Zhang<sup>2</sup>

*Both authors contributed equally to this work and should be considered co-first authors*

<sup>1</sup>*Department of Laboratory Medicine, Sihong People's Hospital, Sihong, China*

<sup>2</sup>*Department of Laboratory Medicine, Shuyang Hospital Affiliated to Xuzhou Medical University, Shuyang, China*

(Clin. Lab. 2018;64:xx-xx. DOI: 10.7754/Clin.Lab.2018.180628)

---

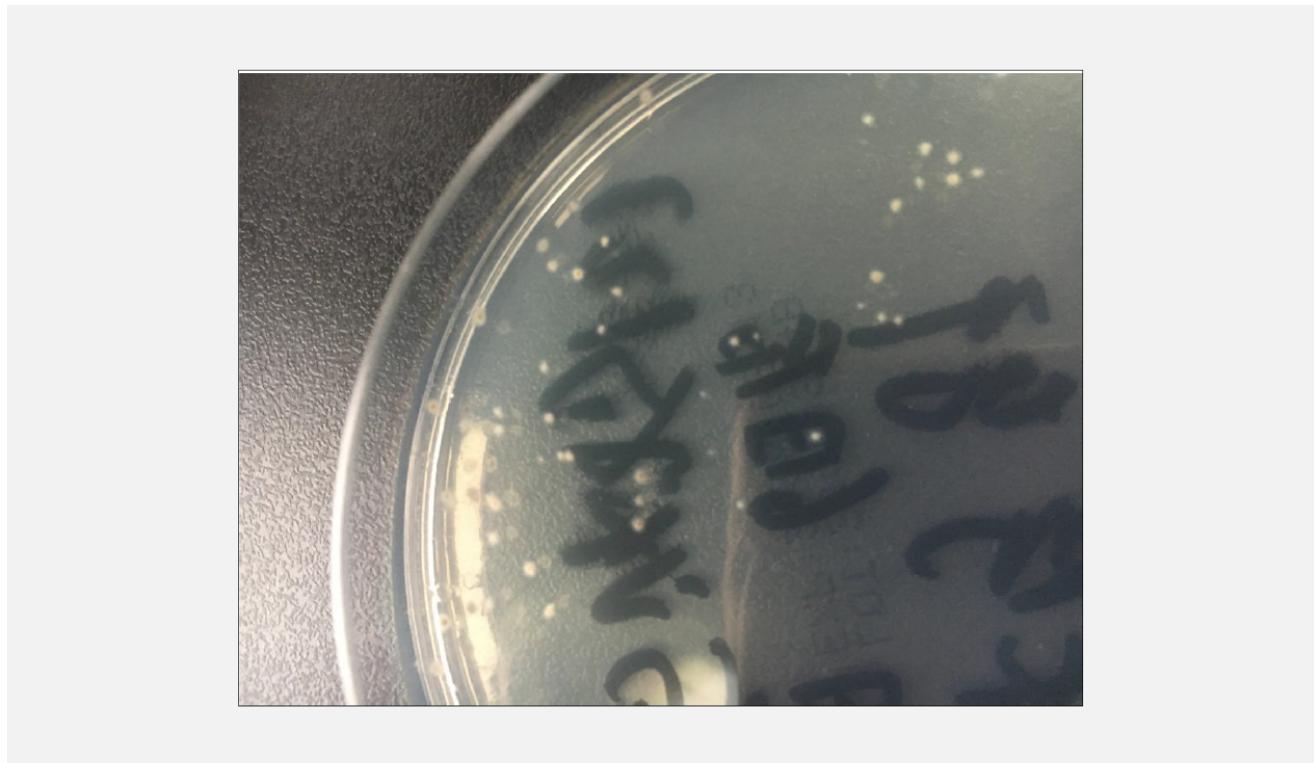
**Correspondence:**

Guo-Ming Zhang  
Department of Laboratory Medicine  
Shuyang People's Hospital  
Yingbin Road No. 9  
Shuyang  
223600 Jiangsu  
China  
ORCID: 0000-0003-0662-1302  
Email: zly52120@163.com  
gm@xzhmu.edu.cn

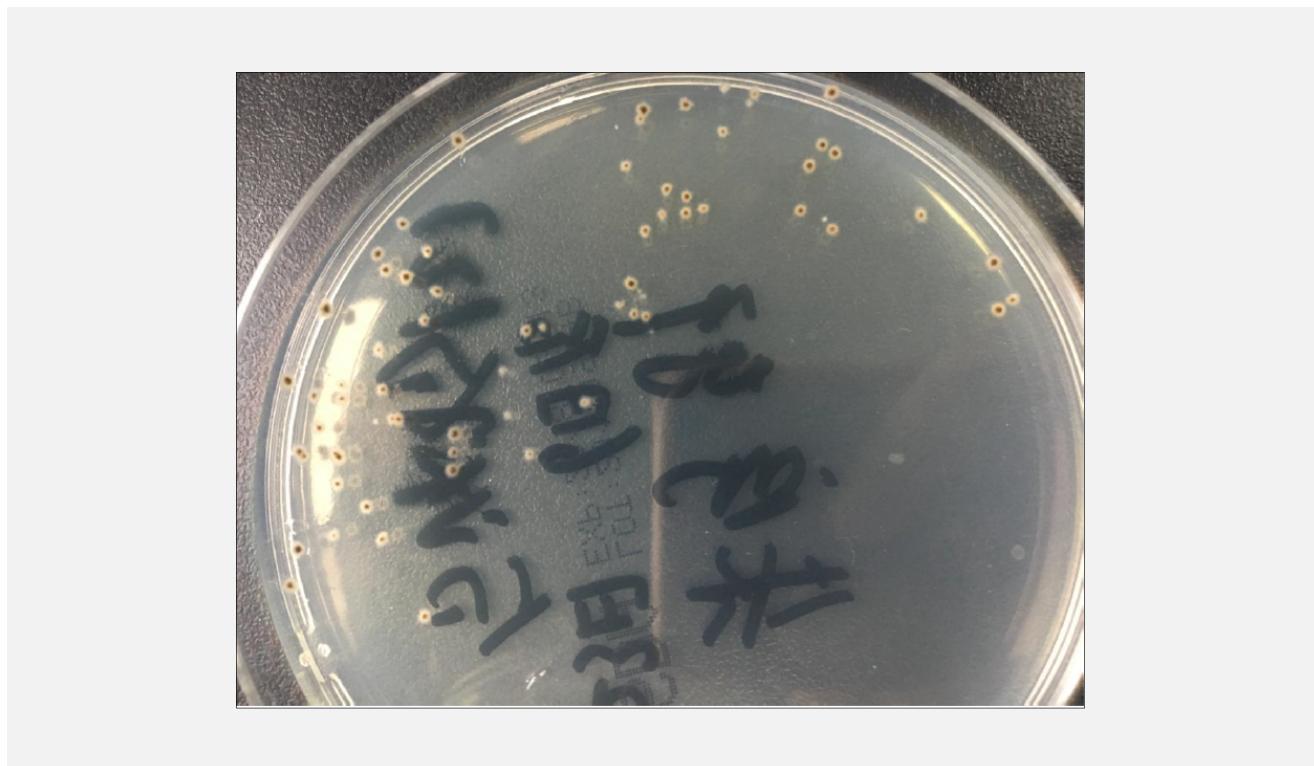
---

Letter to the Editor accepted June 30, 2018

**Supplementary Figures.**



**Figure 1. Day4 in Sabourand's agar media.**



**Figure 2. Day 7 in Sabourand's agar media.**

## Sporothrix Schenckii Infection



**Figure 3.** Day 30 in Sabourand's agar media.

标本条码	1710003041	医院	郑州安图生物工程股份有限公司		
病人姓名	MS 6434	科室		实验号	*BX1700655
性别		住院/门诊号		送检标本	
年龄		房/床号		标本情况	无肉眼可见异常
联系电话		申请医生		采样时间	
医院标识				接收时间	2017-12-13 17:04:40
临床诊断					

项目 检测方法 结果  
靶向DNA测序鉴定真菌 基因测序法 Sporothrix

结果分析：  
 1. IIS基因扩增可见单一清晰目的条带，测序结果经BLAST比对显示，与其它菌株序列相似度为：  
*Sporothrix globosa* (GenBank No. KX590838.1) 99.81%  
*Sporothrix schenckii* (GenBank No. AB122041.1) 99.64%  
 2. 本次送检标本序列与*Sporothrix globosa*相似度最高，为99.81%，与第二相似度菌株*Sporothrix schenckii*的相似度为99.64%，因此该标本初步可鉴定为*Sporothrix*，之后请结合形态、生化、MS等其他方法进行综合判定。附序列：  
 CCTTGGGTAAAGATTCGACGCTCATCGCGGTITTCACGGCAGGGCACCTGGGGCGTCCGGACGGAGGGAG  
 ACGTTGGTTCGGTACTGGCCTCGAGCCATCCACAGGGCCCGCACICGCITTCGGGGGCCCGCCAGGC  
 GGAGGGCCCCAACACCAAGCGGGCAACGGGGCGGTGAGGGGGAAATGACCGCTGGACAGGCAITGCCGCC  
 AGAATGCTGGGGCGCAATGTGCGTTCAAAGATTGATGGTICGCTGAATTCGCAATTCACATIACGTAT  
 CGCATTCCTAGACGGTTTCTCATCGATGCCAGACCAAGAGATCCGTGTTGAAAGTTTGATIATIATIATIAT  
 GTTTCTCAGACGGTTTCTAGTGGTGTGAGATAACAAGGTTCGTAGGGCCCGCCCTGGGGGGGG  
 CGGAGGGGGCGCTGTCGGGGCCCCCCCCCGTCCCCCCCCCGACAGAACGAGAACGAGATGGTACCGTTC  
 GCAAGGGTGGGAGTTGTGAAAACCTGTIAATGATCCCTCCCGAGGTCA

注：对某些属的细菌或真菌，因靶向基因过于保守而难以鉴定到种，我们会给出鉴定到属的结果，并给出最可能的种，之后请结合形态、生化、MS等其他方法进行综合判定。

**Figure 4.** The DNA sequencing of *sporothrix schenckii*.